

Биология и медицина – региону

N E W S

OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES OF THE REPUBLIC OF KAZAKHSTAN

SERIES OF BIOLOGICAL AND MEDICAL

ISSN 2224-5308

Volume 1, Number 307 (2015), 5 – 9

STUDY OF *GSTP1* GENE POLYMORPHISM IN RESIDENTS OF THE FORMER SEMIPALATINSK NUCLEAR TEST SITE

**B. O. Bekmanov, E. M. Khussainova, G. M. Abylkasimova, A. V. Perfilieva, A. S. Amirgalieva,
M. O. Beganova, Nurjibek, B. B. Rysalova, Z. A. Berkimbayeva, L. B. Djansugurova**

«Institute of General Genetics and Cytology» CS MES RK, Almaty, Kazakhstan.

E-mail: bobekman@rambler.ru

Key words: radiation exposure, detoxication, *GSTP1*, polymorphism.

Abstract. The study of gene polymorphism *GSTP1* (rs1695) in the blood samples of people gathered from the territory of the former Semipalatinsk nuclear test site and a control population of Almaty region was conducted. The result revealed an association with homozygous genotype Val105Val factor exposure in Kazakhstan population. Obtained during the survey data revealed the genetic basis of increased radiosensitivity and can be used for individual forecasts of radiation-induced effects in professional, medical or emergency exposure and promptly to carry out preventive measures.

ӘОЖ: 575.113; 577.21; 539.1.04

БҰРЫНҒЫ СЕМЕЙ ЯДРОЛЫҚ ПОЛИГОНЫ АЙМАҒЫ ТҮРГҮНДАРЫНДА *GSTP1* ГЕНИНІҢ ПОЛИМОРФИЗМІН ЗЕРТТЕУ

**Б. О. Бекманов, Э. М. Хусаинова, Г. М. Абылқасымова, А. В. Перфильева,
А. С. Әміргалиева, М. О. Бегманова, Нұржібек, Б. Б. Рысалова,
З. А. Беркімбаева, Л. Б. Жансүгірова**

КР БФМ ФК «Жалпы генетика және цитология институты» РМК, Алматы, Қазақстан

Тірек сөздер: радиациялық сәулелену, детоксикация, *GSTP1*, полиморфизм.

Аннотация. Бұрынғы Семей ядролық полигоны аймағындағы және бақылау ретінде Алматы облысы тұрғындарынан жиналған ДНК үлгілерінде *GSTP1* (rs1695) генинің полиморфизмі зерттелді. Нәтижесінде аталаған геннің гомозиготалы *Val105Val* генотипі мен сәулелену факторы арасындағы байланыс анықталды. Зерттеу барысында алынған нәтиже радиосезімталдылықтың генетикалық негізін түсінуге және атом өнеркәсіптерінде жұмыс істейтін жұмысшыларда (уранды өндіретін және өндійтін), медициналық немесе апат жағдайында сәулеленуге ұшыраған адамдарда жеке радиосезімталдылықты анықтауға, келесі ретте дер кезінде алдын-алу шараларын жүргізуге мүмкіндік береді.

Әлемде радиациялық сәулеленуге ұшыраған тұрғындарды биологиялық және медициналық жағынан зерттеу жұмыстары көптеп жүргізілуде. Соған қарамастан, болашақ үрпакқа радиациялық сәулеленудің генетикалық әсері туралы ақпараттар әлі күнге дейін толық емес. Бұл жағдайда

экологиялық жағынан қолайсыз аймактардан биологиялық материалдар жинау және соның негізінде генетикалық қор құру арқылы адам организміне және болашақ ұрпаққа антропогенді факторлардың әсерін және популяциядағы генетикалық жүкті бағалау бірден-бір қолайлыш бағыт болып табылады. Осы бағытта Жалпы генетика және цитология институты молекулалық генетика лабораториясында ғылым саласында өте жоғары құндылыққа ие генетикалық қор жинақталған. Бұл қордың құрамында бұрынғы Семей ядролық полигон аумағындағы тұрғындардың уш (төрт) ұрпақ көлемінде сипатталатын жаңуялардан жиналған, Степногорск қаласы уран кен өндірісінде жұмыс істейтін адамдардан жиналған, жүрек-тамыр ауруымен ауыратын науқастардан жиналған, колоректальды ісік ауруымен ауыратын адамдардан және бақылау ретінде іріктеліп алған адамдардан жиналған перифериялық кан үлгілері мен ДНҚ молекулалары, жалпы саны шамамен 2500-ден астам адамдардан жиналған кан үлгілері кіреді [1-3].

Коршаған ортаның әртүрлі факторларының әсеріне адам организмінің жеке жауап беруінде негізгі рөлді атқаратын «сыртқы орта гендер» немесе ксенобиотиктер детоксикациясына жауапты гендер болып табылады. Олар өте жоғары полиморфты сипатқа ие. Соның ішінде, мысалы, глутатион S-трансфераза генінің пи формасының (*GSTP1*) алатын орны ерекше [4]. *GSTP1* гені өкпе, қуық, кеуде ісіктерінің және эндометриоз ауруының дамуымен тікелей байланысы болатындығы анықталған [5-7]. *GSTP1* гені 11-ші хромосомада орналасқан (11q.13). Бұл геннің белогы жыныс органдарында, плацентада және ми клеткаларында табылған. *GSTP1* ферменті организмде табигаты әртүрлі пестицидтер мен гербицидтердің детоксикация және канцерогенез үдерістерінде маңызды роль атқаратыны анықталған.

Осылай орай бұл жұмыста радиациялық сәулеленуге ұшыраған және сәйкесінше бақылау топтарында организмде әртүрлі ксенобиотиктердің детоксикациясына қатысатын *GSTP1* генінің полиморфизмін зерттеу қарастырылған.

Зерттеу материалдары мен әдістері

Зерттеу материалдары ретінде бұрынғы Семей ядролық полигоны аумағында тұратын сәулеленуге ұшыраған (519 адам) және бақылау ретінде Алматы облысы аймағындағы тұрғындардан (284 адам) жиналған кан үлгілері қолданылды. Бұл материалдар 1998-2000 жылдары халықаралық грант қолдауымен, 2008-2011 және 2012-2014 жылдары аралығында ҚР БФМ Ғылым комитеті қаржыланыратын гранттардың қолдауы аясында жиналған. Бірегей материалдар қазіргі сәттерде Жалпы генетика және цитология институты молекулалық генетика лабораториясында құрылған генетикалық қорда сақталуда.

Зерттеу ретінде таңдап алғынған кан үлгілерінен геномдық ДНҚ молекуласын бөліп алу *QIAamp DNA Mini Kit* (Qiagen, USA) және *DNA purification Kit* (Thermoscientific, USA) арнайы жиынтықтар арқылы жүзеге асырылды. Бөлініп алғынған ДНҚ молекуласының концентрациясы және сапасы арнайы биофотометрдің көмегімен анықталды (*BioPhotometer plus*, Eppendorf, Germany). Келесі ретте геномдық ДНҚ молекуласына полимеразды тізбекті реакция (ПТР) әдісі жүргізілді. Реакциялық қоспада 20-30 нг ДНҚ молекуласы, 12 пмоль концентрацияда праймерлер, (тура: '-ACC CCA GGG CTC TAT GGG AA-3' және кері: 5'-TGA GGG CAC AAG AAG CCC CT-3') және *PCR MasterMix* (Thermoscientific, USA) жиынтығы болды. ПТР реакциясы 94°C – 3 минут, ары қарай 94°C – 30 сек., 55°C – 30 сек., 72°C – 30 сек. (30 цикл) және соңғы 72°C – 5 минут аралығында болды. ПТР реакциясы нәтижесінде туындаған ампликон *Alw26I* (Thermoscientific, USA) рестриктазасы арқылы 37°C температурада 12 сағат аралығында өндеуден өткізілді. Рестриктаза арқылы өнделген амплиондар 5% полиакриламидті гельде талданды. Полиакриламидті гельде 91 ж.н. және 85 ж.н. тұратын 2 жолақтың пайда болуы *val/val* генотипімен сипатталды. Ал 176 ж.н., 91 ж.н. және 85 ж.н. тұратын 3 жолақ *ile/val* генотипін көрсетті. Егер 176 ж.н. тұратын бір жолақ болса, онда ол *ile/ile* генотипімен сипатталды (сурет).

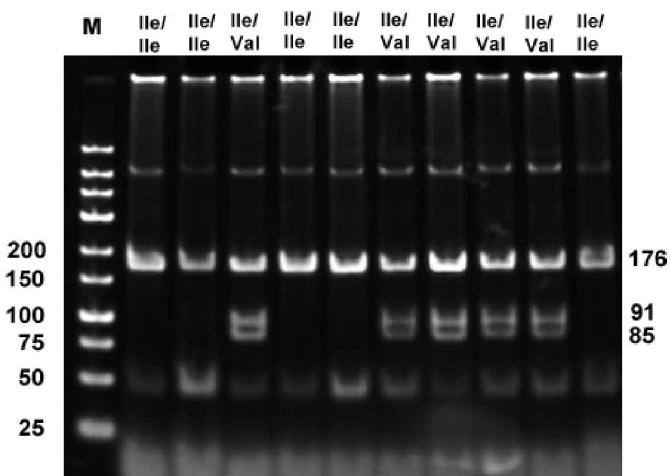
Зерттеу нәтижелерін статистикалық өңдеу. Зерттеу нәтижелері арнайы компьютерлік бағдарламалар арқылы (*Statistica 10.0*) және интернет беттеріндегі арнайы есептеу арқылы (www.gen-exp.ru және www.medstatistic.ru/calculators) өндеулерден өткізілді.

Зерттеу нәтижелері және оларды талқылау

Адам организмінің радиациялық сәулеленуге жауабы әртүрлі факторлармен, соның ішінде жеке радиосезімталдылық және радиотөзімділікпен анықталады. Яғни, радиосезімталдылық деңгейі сол организмдегі ДНҚ молекуласының репарациясы жүйесінің қызметі, апоптоз үдерісі, әртүрлі улы заттардың метаболизмі және т.б. үдерістермен анықталады.

Клеткадағы бос радикалдардың және химиялық белсенді заттардың пайдасы болуы, судың радиолизі радиацияның ұзақ үақыттың асерінен болатындығы белгілі. Осыған орай ксенобиотиктердің детоксикациясына жауапты ферменттердің синтездейтін гендер радиосезімталдылық пен радиотөзімділікке кандидат гендер есебінде қарастырылады.

Организмде ксенобиотиктердің детоксикациясына қатысатын *GSTP1* генінің пліморфты жағдайын генотиптеу мақсатында бір-бірімен жынысы, жасы, ұлты және т.б. сай келетін сәулеленуге ұшыраған популяциядан 519 үлгі және бақылау ретіндегі популяциядан 284 үлгі колданылды. *GSTP1* генін рестрикциялық өндеуден өткеннен кейінгі электрофорез нәтижесі төмендегі суретте көрсетілген (сурет).



M – маркер 25-700 bp DNA ladder (*ThermoScientific, USA*).
Ile/Ile – гомозиготалы генотип (176 ж.н.); Ile/Val – гетерозиготалы генотип (176/91/85 п.н.).

GSTP1 генін рестрикциялық өндеуден кейінгі электрофореграммасы

Бақылау және сәулеленген популяциядағы *GSTP1* генінің аллелдерінің таралу жиілігі анық нәтиже берmedі. Сәулеленген популяцияда *Ile* аллелінің жиілігі бақылаумен салыстырында кішкене жоғары (0,778 және 0,759); *Val* аллелінің де таралу жиілігі сәулеленген популяция мен бақылау тобында айырмашылығы жоқ: 0,222 – сәулеленген популяция және 0,241 бақылау тобы (1-кесте). 2-кестеде *GSTP1* генінің сәулеленген және бақылау популяцияларында сәулелену факторы мен зерттелген геннің полиморфизмінің статистикалық талдауы берілген. Алынған нәтиже бойынша сәулелену факторымен гомозиготалы генотип *GSTP1 Val/Val* (OR=1,28) арасында байланыс болатындығы көрсетілді.

1-кесте – Сәулеленген және бақылау топтарында *GSTP1* генінің жиілігі

Аллелдер	Сәулеленген популяция		χ^2	p	OR	95% CI
	n = 519	n = 284				
Аллель <i>Ile</i>	0,778	0,759	0,80	0,37	1,12	0,88 – 1,42
Аллель <i>Val</i>	0,222	0,241			0,90	0,70 – 1,14

2-кесте – Сәулелену факторы мен *GSTP1* генінің *Ile105Val* полиморфизмінің арасындағы байланыс

Ген	Генотип	Бақылау, адам (%)	Сәулеленген популяция, адам (%)	OR	CI (95%)	P
<i>GSTP1</i> (<i>Ile105Val</i>)	<i>Ile / Ile</i>	153 (53,87)	303 (58,38)	0,92	0,90 – 1,61	0,33
	<i>Ile / Val</i>	125 (44,01)	202 (38,92)	0,81	0,60 – 1,09	
	<i>Val / Val</i>	6 (2,12)	14 (2,70)	1,28	0,49 – 3,38	

Біздің зерттеулер арқылы алынған *GSTP1* генінің қалыпты және полиморфты аллелдерінің жиілігін әдебиеттердегі мәліметтермен салыстырса, зерттеудегі *Val* аллелінің таралуы жиілігі азия және еуропа популяциясының аралығында болатыны анықталды [8, 9]. *GSTP1* генінің *Ile105Val* аллелдерінің түрлі этникалық топтарда және популяцияларда таралу жиілігі әртүрлі. Мысалы, *GSTP1* гені 105Val аллелі афро-американдықтар популяциясында көнінен тараған (0,42) және тайваньдықтар популяциясында бұл жиілік төмен көрсеткішке ие (0,18) [10, 11]. Соңдай-ақ, Индияның онтүстік аймағындағы этникалық топтарда 105Val аллелінің таралу жиілігі 0% құраган, ал кейбір популяцияларда 11,8% дейін жеткен [12].

GSTP1 генотиптерінің мұндай таралуы әртүрлі аймақта тұратын этникалық топтарға және популяцияларға сыртқы орта факторларының жекелей әсерінен деп тұжырымдауга болады. Яғни, аталған генінің *Ile105Val* полиморфизмі детоксикация үдерісінде II фазада ферменттің каталитикалық белсенділігін мейлінше басады, нәтижесінде организмінің әртүрлі канцерогендерге, метаболиттерге және дәрілік препараттарға жеке сезімталдылығы бұзылады.

ЛИТЕРАТУРА

- [1] Bersimbaev R.I., Lindholm C. et al. Three generation study of population living the vicinity of the Semipalatinsk nuclear test site. Biosample database and population characteristics // STUK-AA. – 2002. – Vol. 180. – P. 10-29.
- [2] Дуброва Ю., Берсимбаев Р., Джансугурова Л., Саломаа С. Влияние ядерных испытаний на частоту мутаций в половых клетках человека // Мат-лы Третьего Съезда ВОГиС «Генетика в XXI век: современное состояние и перспективы развития». – М., 2004. – С. 455.
- [3] Bersimbaev R.I., Lindholm C., Dubrova Y.E. et al. Minisatellite mutations and biodosimetry of population living close to the Semipalatinsk nuclear test site // STUK – A 187 Workshop on dosimetry of the population living in the proximity, of the Semipalatinsk atomic weapons test site. – 2002. – P. 40-45.
- [4] Lang J., Song X., Cheng J. et al. Association of *GSTP1 Ile105Val* polymorphism and risk of head and neck cancers: a meta-analysis of 28 case-control studies // PLoS One. – 2012. – Vol. 7(11). – P. e48132.
- [5] Xu C.H., Wang Q., Zhan P. et al. *GSTP1 Ile105Val* polymorphism is associated with lung cancer risk among Asian population and smokers: an updated meta-analysis // Mol. Biol. Rep. – 2014. – Vol. 41(7). – P. 4199-4212.
- [6] Egan K.M., Cai Q., Shu X.O. et al. Genetic polymorphisms in *GSTM1*, *GSTP1*, and *GSTT1* and the risk for breast cancer: results from the Shanghai Breast Cancer Study and meta-analysis // Cancer Epidemiol. Biomarkers Prev. – 2004. – Vol. 13, N 2. – P.197-204.
- [7] Chen X., Yan Y., Li P. et al. Association of *GSTP1 - 313A/G* polymorphisms and endometriosis risk: a meta-analysis of case-control studies // Eur. J. Obstet. Gynecol. Reprod. Biol. – 2013. – Vol. 171(2). – P. 362-367.
- [8] Hezova R., Bienertova-Vasku J., Sachlova M. et al. Common polymorphisms in *GSTM1*, *GSTT1*, *GSTP1*, *GSTA1* and susceptibility to colorectal cancer in the Central European population // Eur. J. Med. Res. – 2012. – Vol. 14. – P. 17-22.
- [9] Li W., Chen J., Liu C. Glutathione S-transferase P1 *Ile105Val* polymorphism and oral cancer risk: a meta-analysis // Int. J. Med. Sci. – 2013. – Vol. 10(4). – P. 392-398.
- [10] Jones B.A., Christensen A.R., Wise J.P. et al. Glutathione S-transferase polymorphisms and survival in African-American and white colorectal cancer patients // Cancer Epidemiol. – 2009. – Vol. 33(3-4). – P. 249-256.
- [11] Chen S.H., Wu W.J., Tu H.P. et al. Glutathione S-transferase expression in upper urinary tract urothelial carcinomas: a Taiwan study // Asian Pac. J. Cancer Prev. – 2013. – Vol. 14(11). – P. 6475-6479.
- [12] Lakkakula S., Maram R., Gurramkonda V.B. et al. Gene Frequencies of the Human *GSTT1* (Null Allele) and *GSTP1* (*Ile105Val*) Polymorphisms among South Indian Populations // Advances in Cancer: Research & Treatment. – 2013. – Vol. 201. – P. 4869-4878.

REFERENCES

- [1] Bersimbaev R.I., Lindholm C. et al. Three generation study of population living the vicinity of the Semipalatinsk nuclear test site. Biosample database and population characteristics. STUK-AA. 2002. Vol. 180. P. 10-29.
- [2] Dubrova Ju., Bersimbaev R., Dzhansugurova L., Salomaa S. Vlijanie jadernyh ispytanij na chastotu mutacij v polovyh kletkah cheloveka. Mat-ly Tret'ego S#ezda VOGiS «Genetika v XXI vek: sovremennoe sostojanie i perspektivy razvitiya». M., 2004. S. 455.

- [3] Bersimbaev R.I., Lindholm C., Dubrova Y.E. et al. Minisatellite mutations and biodosimetry of population living close to the Semipalatinsk nuclear test site. STUK – A 187 Workshop on dosimetry of the population living in the proximity of the Semipalatinsk atomic weapons test site. 2002. P. 40-45.
- [4] Lang J., Song X., Cheng J. et al. Association of GSTP1 Ile105Val polymorphism and risk of head and neck cancers: a meta-analysis of 28 case-control studies. PLoS One. 2012. Vol. 7(11). P. e48132.
- [5] Xu C.H., Wang Q., Zhan P. et al. GSTP1 Ile105Val polymorphism is associated with lung cancer risk among Asian population and smokers: an updated meta-analysis. Mol. Biol. Rep. 2014. Vol. 41(7). P. 4199-4212.
- [6] Egan K.M., Cai Q., Shu X.O. et al. Genetic polymorphisms in GSTM1, GSTP1, and GSTT1 and the risk for breast cancer: results from the Shanghai Breast Cancer Study and meta-analysis. Cancer Epidemiol. Biomarkers Prev. 2004. Vol. 13, N 2. P.197-204.
- [7] Chen X., Yan Y., Li P. et al. Association of GSTP1 - 313A/G polymorphisms and endometriosis risk: a meta-analysis of case-control studies. Eur. J. Obstet. Gynecol. Reprod. Biol. 2013. Vol. 171(2). P. 362-367.
- [8] Hezova R., Bienertova-Vasku J., Sachlova M. et al. Common polymorphisms in GSTM1, GSTT1, GSTP1, GSTA1 and susceptibility to colorectal cancer in the Central European population. Eur. J. Med. Res. 2012. Vol. 14. P. 17-22.
- [9] Li W., Chen J., Liu C. Glutathione S-transferase P1 Ile105Val polymorphism and oral cancer risk: a meta-analysis. Int. J. Med. Sci. 2013. Vol. 10(4). P. 392-398.
- [10] Jones B.A., Christensen A.R., Wise J.P. et al. Glutathione S-transferase polymorphisms and survival in African-American and white colorectal cancer patients. Cancer Epidemiol. 2009. Vol. 33(3-4). P. 249-256.
- [11] Chen S.H., Wu W.J., Tu H.P. et al. Glutathione S-transferase expression in upper urinary tract urothelial carcinomas: a Taiwan study. Asian Pac. J. Cancer Prev. 2013. Vol. 14(11). P. 6475-6479.
- [12] Lakkakula S., Maram R., Gurramkonda V.B. et al. Gene Frequencies of the Human GSTT1 (Null Allele) and GSTP1 (Ile105Val) Polymorphisms among South Indian Populations. Advances in Cancer: Research & Treatment. 2013. Vol. 201. P. 4869-4878

ИССЛЕДОВАНИЕ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНА *GSTP1* У ЖИТЕЛЕЙ БЫВШЕГО СЕМИПАЛАТИНСКОГО ЯДЕРНОГО ПОЛИГОНА

**Б. О. Бекманов, Э. М. Хусаинова, Г. М. Абылқасымова, А. В. Перфильева, А. С. Амиргалиева,
М. О. Бегманова, Нуржибек, Б. Б. Рысалова, З. А. Беркимбаева, Л. Б. Джансугурова**

РГП «Институт общей генетики и цитологии» КН МОН РК, Алматы, Казахстан

Ключевые слова: радиационное облучение, детоксикация, *GSTP1*, полиморфизм.

Аннотация. Было проведено исследование полиморфизма гена *GSTP1* (rs1695) на образцах крови людей, собранных с территории бывшего семипалатинского полигона и в контрольных популяциях Алматинской области. В результате выявлена ассоциация гомозиготного генотипа *Val105Val* с фактором облучения в казахстанской популяции. Полученные в ходе исследования данные позволили выявить генетические основы повышенной радиочувствительности и могут быть использованы для индивидуальных прогнозов радиационно-индукционных эффектов при профессиональном, медицинском или аварийном облучении, а также своевременно проводить профилактические мероприятия.

Поступила 27.02.2015 г.